

Konferencia ITAT 2013 - predbežný program

Streda, 11.9.2013

18:00 Večera

19:00 Otvorenie konferencie

19:10 Pozvaná prednáška:

- **Dávid Pál (Google New York): Online problémy v strojovom učení**

20:10 - 20:30 Prestávka

20:30 - 21:30 Prednášky (hlavná konferencia)

- Marketa Lopatkova and Martin Platek. Formalization of Word-Order Shifts by Restarting Automata
- Anna Vernerová and Markéta Lopatková. Towards Automatic Detection of Applicable Diatheses

Štvrtok, 12.9.2013

7:30 Raňajky

8:30 - 10:00 Prednášky (hlavná konferencia)

- Wit Foryś, Gabriel Semanisin and Magdalena Foryś. Trace shifts - minimal case for independence relations given by five node
- Miron Kuzma. Improving the Estimation of a Font Face Attributes According to User Preferences
- Vladislav Martinek and Michal Zemlicka. Spolehlivost přestupů

10:00 - 10:30 Prestávka

Workshop: Data mining a učení preferencí na webu

10:30 - 12:30

- Jaroslava Hlavacova: Dobývání medicinských termínů pomocí Dbpedie
- Kateřina Veselovská and Jan Hajic Jr.: Developing Sentiment Annotator in UIMA – The Unstructured Information Management Architecture for Data Mining Applications
- Stanislav Vojíř: Transformation of GUHA association rules to business rules for implementation using JBoss Drools
- Štefan Pero: Educational Data Mining: Survey

12:30 Obed

14:00 - 15:30

- Stefan Pero and Tomas Horvath: Opinion-Driven Matrix Factorization for Rating Prediction: The UMAP'13 talk and the received feedbacks
- Ladislav Peska: How Far can Recommender Systems Predict?
- Tomáš Nguyen and Stefan Pero: Extrakcia vlastností produktu z komentárov užívateľov

15:30 - 16:00 *Prestávka*

16:00 Prezentácia posterov

18:00 *Večera*

19:00 Pozvaná prednáška:

- **Eduard Kejnovský (Biofyzikální Ústav AV ČR): Skákající geny - paraziti nebo pomocníci?**

20:00 - 20:15 *Prestávka*

20:15 - 21:15 Prednášky (hlavná konferencia)

- Martina Visnovska, Tomas Vinar and Broňa Brejová. DNA Sequence Segmentation Based on Local Similarity
- Martin Kravec, Matin Bobák, Broňa Brejová and Tomas Vinar. Variants of Genes from the Next Generation Sequencing Data

Piatok, 13.9.2013

7:30 *Raňajky*

8:30 - 10:00 Prednášky (hlavná konferencia)

- Gabriela Andrejkova, Abdulwahet Almarimi and Asma Mahmoud. Approximate Pattern Matching using Fuzzy Logic
- Vladimír Boža. Experimental Comparison of Set Intersection Algorithms for Inverted Indexing
- Martin Kruliš, Miroslav Čermák, Jakub Yaghob and Zbyněk Falt. Revize metod externího třídění pro moderním hardware

10:00 - 10:30 *Prestávka*

Workshop: Bioinformatika v štúdiu genómov a proteómov

10:30 - 12:30 Bioinformatics and molecular biology of nucleic acids

- Jaroslav Budiš and Broňa Brejová. Using Motifs in RNA Secondary Structure Prediction
- Mária Šimaľová. Nussinov folding based simultaneous alignment and folding of RNA sequences
- Brázdová Marie, Matej Lexa and Tomáš Martínek. In silico search for secondary structures in p53 target genes using R/Bioconductor

- Ladislav Rampášek, Andrej Luptak, Tomas Vinar and Broňa Brejová. RNArobo: Fast RNA Motif Search

12:30 *Obed*

14:00 - 15:30 Genomics, proteomics and molecular biology

- Michael Anděl, Jiří Kléma and Zdeněk Krejčík. Integrating mRNA and miRNA expressions with interaction knowledge to predict myelodysplastic syndrome
- Ivana Ihnatova. Topology Incorporating Pathway Analysis of Expression Data: An Evaluation of Existing Methods
- Vendula Hrdinová, Blanka Pekárová, Tomáš Klumpler, Lubomír Janda and Jan Hejátko. Study of the receiver and receiver-like domain relationship in cytokinin receptor of *Arabidopsis thaliana*

15:30 *Prestávka*

15:50 - 17:00

- (s) Vojtěch Didi, Jan Hejátko, Radim Čegan, Mariana Benítez, Tereza Dobisová, Roman Hobza and Vít Gloser. Elucidating molecular mechanisms of cytokinin action in the vascular bundle development of *Arabidopsis thaliana*
- (s) Stanislav Štefanič and Matej Lexa. Generovanie simulovaných testovacích dát pre genómové asociačné štúdie
- Tomas Vinar and Broňa Brejová. Comparative Genomics in Genome Projects

(Prednášky označené (s) sú 20 min, všetky ostatné prednášky sú 30 min)

18:00 Banquet

Sobota, 14.9.2013

7:30 *Raňajky*

8:30 - 10:00 Prednášky (hlavná konferencia)

- Miroslav Čermák and Filip Zavoral. Dosiahnutie vysokej dostupnosti v D-Boboxe
- Zbyněk Falt, Jakub Yaghob and Martin Kruliš. Bobolang - jazyk pro systém Bobox
- Michal Brabec and David Bednárek. Programming parallel pipelines using non-parallel C# code

10:00 - 10:30 *Prestávka*

Workshop: Výpočtová inteligencia a dobývání znalostí z dat

10:30 - 12:30

- Vera Kurkova. Representations of highly varying functions by perceptron networks
- Lukáš Bajer, Martin Holeňa and Viktor Charypar. Sampling Methods for Model Guided Sampling Optimization with Gaussian Processes
- Martin Kopp and Martin Holeňa. Design and comparison of two rule-based fuzzy classifiers for computer security
- Martin Holeňa and Martin Ščavnický. Application of Copulas to Data Mining Based on

Observational Logic

12:30 Obed

14:00 - 15:30

- Václav Hubata-Vacek. Spectral analysis of EEG signals
- Jiří Pejla and Martin Holena. Using machine learning methods in a personalized reputation system
- Robert Brunetto. Probabilistic modeling of dynamic systems

15:30 - 16:30 Prestávka

16:30 - 17:30 Tutorial: Bezdrôtové siete senzorov a aktuátorov - od teórie k aplikáciám

18:00 Večera

19:00 Pozvaná prednáška:

- **Rišo Kráľovič (Google Zürich): Menej je niekedy viac: Mapreduce a Flume v paralelných výpočtoch**

20:00 - 20:15 Prestávka

20:15 - 21:15 Prednášky (hlavná konferencia)

- Mikulas Pataky. Anonymita používateľa v internete
- Galina Jiraskova and Matus Palmovsky. Kleene Closure and State Complexity

21:15 - Uzatvorenie konferencie, udeľovanie ceny a business meeting