

18.04.2025

### Отчёт по заданию в классе

Я создала директорию ~/term4/pr11 для работы. Все используемые файлы находятся в этой директории.

Я скачала seed -выравнивание для **SH3-домена** (PF00018). Затем при помощи команды hmmbuild создала HMM-профиль, а далее при помощи алгоритма:

```
hmmsearch sh3.hmm /Z/yeast-proteins.fasta > out.txt
```

осуществила поиск последовательностей, соответствующих HMM-профилю.